MyFitnessGenes®







Referencia de la muestra: 7029 – EXAMPLE

Evaluación Genética del Potencial Atlético

CASO ÍNDICE		INSTITUCIÓN CLIENTE	
Nombre:	N.A.	Nombre del médico referente:	N.A.
Género:	N.A.	Referencia:	N.A.
Fecha de nacimiento:	N.A.	Institución:	N.A.
Edad:	N.A.		
Etnia:	N.A.		
Número del proceso:	N.A.	Fecha de entrada de la solicitud:	N.A.
Razón:	Idoneidad del plan de entrenamiento	Fecha de cumplimiento de la solicitud:	N.A.
Propósito:	Genética del rendimiento atlético		
Tipo de muestra:	N.A.		

1. ¿QUÉ ES LO QUE SE EVALÚA EN ESTA PRUEBA GENÉTICA?

Esta prueba genética realizada por HeartGenetics analiza el ADN para evaluar 43 variantes genéticas de 33 genes. Esta prueba tiene un 99 % de precisión y solo hay que realizarla una vez en la vida.

Esta prueba identifica el perfil genético atlético con la intención de informar sobre el potencial atlético así como sobre medidas preventivas y necesidades.

Las recomendaciones que se ofrecen en este informe se pueden utilizar para guiarle a usted y a su entrenador personal para optimizar su plan de entrenamiento.

2. Exención de Responsabilidad

El rendimiento atlético es un concepto utilizado por atletas y aficionados al deporte que determina la capacidad de alcanzar el máximo potencial atlético. La información sobre la predisposición genética se debe integrar con información sobre características físicas (p. ej. edad, sexo, índice de masa corporal, VO_2 max) y comportamiento (p. ej. hábitos alimenticios, actividad física) para establecer el mejor plan de entrenamiento personalizado.

No hay pruebas de que los datos genéticos se puedan usar para determinar el talento deportivo. Hay estudios que informan del tipo de entrenamiento que funciona mejor para conseguir los objetivos establecidos. HeartGenetics utiliza información actualizada y tiene en cuenta la investigación más reciente para la interpretación de los datos genéticos. No obstante, todavía se desconoce mucho sobre los perfiles genéticos y las capacidades deportivas.

Los resultados de esta prueba genética no dependen de la condición física o clínica o de la gestión terapéutica del individuo al que se realizó la prueba. La información que se proporciona no confirma ni sustituye ningún estado o diagnóstico médico y no puede utilizarse para la prevención de enfermedades o la identificación de condiciones clínicas. En caso de preguntas relativas a la información de este informe, o cualquier duda sobre salud o situación clínica personal, se le aconseja acudir a un profesional sanitario cualificado.

Referencia de la muestra: 7029 - EXAMPLE

3. Áreas Bajo Análisis

Fuerza Explosiva | capacidad de fuerza explosiva

Descubra su potencial genético para ejercer una fuerza considerable en un corto periodo de tiempo y mejore el rendimiento de su entrenamiento de fuerza explosiva.

Fuerza y sprint, tipo de fibra, generación de energía, eficiencia metabólica, presión sanguínea, salida cardíaca, hipertrofia muscular



Resistencia | capacidad de resistencia

Descubra si está capacitado naturalmente para repetir una actividad durante un periodo de tiempo prolongado sin sentir fatiga.

Capacidad cardiopulmonar, presión sanguínea, eficiencia metabólica, tipo de fibra, suministro de oxígeno muscular, tolerancia a la fatiga, angiogénesis, rendimiento muscular, economía corriente



Fuerza Resistencia | capacidad de rendimiento muscular y ejercicios de fuerza

Evalúe si es apto para la práctica de deportes de fuerza explosiva, sprint y aeróbicos-anaeróbicos mixtos.

Generación de energía, suministro de oxígeno muscular, homeóstasis de la glucosa, metabolismo lipídico, presión sanguínea, angiogénesis



VO₂ max | capacidad aeróbica

Entienda su capacidad de llevar a cabo ejercicios dinámicos y de intensidad moderada a alta que tengan un impacto en su capacidad cardiorrespiratoria.

VO₂ max, suministro de oxígeno muscular, tolerancia a la fatiga

Referencia de la muestra: 7029 - EXAMPLE



Lesiones | propensión a lesiones

Sepa si tiene una predisposición a una mayor proporción de lesiones de tendones y ligamentos.

Daño muscular inducido por el ejercicio, inflamación, estrés oxidativo, dolor, tendinopatías y ruptura de ligamentos, fuerza, señalización de insulina



Necesidades de Recuperación | capacidad de regeneración muscular

Sepa el tiempo que necesitan sus músculos para recuperarse tras el ejercicio.

Reparación muscular, formación de colágeno, inflamación, señalización de insulina



Necesidades de Reposición de Energía | necesidades nutricionales

Conozca sus necesidades nutricionales y el equilibrio entre el entrenamiento y la ingesta adecuada de antioxidantes o ácidos grasos omega-3.

Necesidades antioxidantes, necesidades de PUFA, respuesta del IMC al ejercicio



Musculación | capacidad de desarrollo muscular

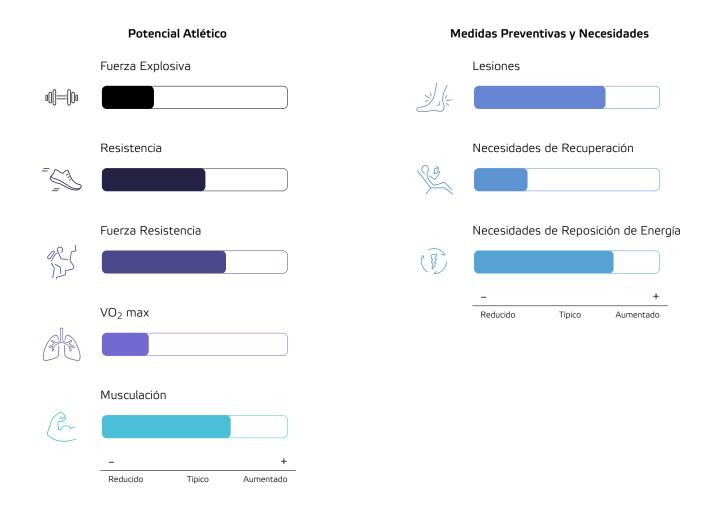
Descubra cómo de fácil es para usted ganar fuerza muscular mediante el entrenamiento de fuerza explosiva.

Daño muscular y regeneración, hipertrofia muscular, fuerza y fuerza explosiva, masa muscular

4. Su Perfil Genético de Atleta

Esta sección presenta su predisposición genética asociada con su potencial de rendimiento atlético con dos puntos de vista diferentes:

1) su «potencial atlético»; 2) sus «medidas preventivas y necesidades». Esta prueba genética identificó 22 variantes genéticas (de un total de 43 variantes analizadas) con un impacto significativo en la definición de su perfil de atleta. Su perfil de atleta genético conduce a un conjunto claro de acciones que deben llevarse a cabo para recomendaciones personalizadas de entrenamiento, dependiendo de su nivel actual de actividad física, la intensidad del ejercicio deseado y los objetivos de acondicionamiento físico. Consulte a su entrenador personal sobre cómo aumentar su capacidad para mejorar las rutinas de ejercicios.



Su Potencial Excepcional

















Referencia de la muestra: 7029 – EXAMPLE

5. Fuerza Explosiva



Su genética relacionada con el rasgo de fuerza explosiva:

Sus resultados genéticos indican que tiene un potencial reducido en cuanto a la fuerza explosiva. Si desea trabajar más esta capacidad, debe incluir ejercicios de fuerza en su rutina de ejercicio y aumentar gradualmente la intensidad.



Recomendación al plan de entrenamiento de acuerdo con directrices:

Nivel avanzado, intermedio o iniciado - Los datos genéticos muestran una afiliación reducida a las actividades centradas en la fuerza explosiva. Las actividades centradas en la fuerza explosiva incluyen distintos deportes como las carreras de velocidad, el levantamiento de peso, el levantamiento de potencia, etc. Los genes no dictan que deba evitar estos deportes, pero es altamente probable que sea mucho más duro para usted alcanzar el mismo nivel que alguien genéticamente predispuesto para las actividades de fuerza explosiva. Hay deportes de fuerza explosiva que son asequibles para este perfil hasta un nivel destacable, pero se trata de deportes de tipo muy combinado. Aunque es posible que no tenga ventaja genética en lo que respecta a la fuerza explosiva, puede y debe incorporar ejercicios de fuerza en su rutina diaria, incluidos el peso corporal, los ejercicios de fuerza/resistencia, etc. Debería empezar con un programa físico integral que, de forma gradual y segura, le permita introducirse en una rutina orientada de forma más específica a la fuerza. Más adelante, puede dividir las rutinas de ejercicio, separando los grupos de músculos en distintas sesiones. Debería concentrarse primero en el volumen y luego en la intensidad, para evitar lesiones.

Recomendaciones según el American College of Sports Medicine [1].

Referencia de la muestra: 7029 - EXAMPLE

10. Lesiones



Su genética relacionada con el rasgo de lesión:

Sus resultados genéticos indican que tiene predisposición a un riesgo aumentado en general de lesiones en tejidos blandos relacionadas con el ejercicio. Debe tener esto en cuenta cuando planifique su entrenamiento. Los ejercicios de fuerza y resistencia son importantes para fortalecer los huesos, los músculos y el tejido conectivo, reduciendo el riesgo de lesiones. Además, puede incluir ejercicios de flexibilidad para evitar las lesiones en tendones o articulaciones y aumentar su rango de movimiento (ROM) máximo.



Recomendación al plan de entrenamiento de acuerdo con directrices:

La susceptibilidad genética a las lesiones no significa un potencial atlético pobre de forma automática, pero sí se traduce en que es necesario un programa de entrenamiento más equilibrado, con mayor énfasis en las estrategias de recuperación y en los ejercicios de acondicionamiento.

<u>Nivel avanzado</u> - Si es un atleta de élite, piense en introducir, en la rutina deportiva, ejercicios específicos de condición física 3-4 veces por semana.

<u>Nivel intermedio</u> - Si practica deportes o ejercicio regularmente, podría valer la pena dedicar un mínimo de sesiones 2-3 a la semana a un acondicionamiento físico general, además de llevar a cabo el entrenamiento normal.

<u>Nivel principiante</u> - Si es usted principiante, asegúrese de que cuenta con una rutina de ejercicios bien diseñada, que incluya entrenamientos de fuerza, movilidad y flexibilidad articular. Tenga cuidado de no realizar un entrenamiento excesivo o sobrepasar sus límites físicos. Se recomienda dar al cuerpo el tiempo suficiente para ajustarse a nuevos ejercicios y asegurarse de que aprende las técnicas de forma apropiada.

También se ha sugerido que una hidratación óptima antes y después de hacer ejercicio puede ser beneficiosa para evitar la lesión de ligamentos. Consulte a un médico deportivo o a un entrenador personal sobre cómo reforzar sus articulaciones, tendones, ligamentos y músculos. Si realiza tanto entrenamiento aeróbico como de peso, debería hacer primero los ejercicios aeróbicos. Nunca incremente el volumen y la intensidad de sus ejercicios al mismo tiempo. Debería hacer ejercicios de flexibilidad después de un calentamiento completo. No se salte nunca el calentamiento; aumente el volumen y la intensidad del calentamiento en condiciones ambientales más frías. Aumente la velocidad/fuerza gradualmente en el calentamiento. Asegúrese de haberse recuperado por completo antes de comenzar con un entrenamiento intensivo. Recurra a los masajes o a las bolsas de hielo para reducir las inflamaciones (bajo el consejo de profesionales cualificados). Caliente siempre, estire, fortalezca sus músculos, y entrene la agilidad, cambio de dirección y velocidad.

Recomendaciones según el American College of Sports Medicine [1].

Referencia de la muestra: 7029 – EXAMPLE

13. INFORMACIÓN TÉCNICA

13.1. METODOLOGÍA

- 1. La extracción de ADN se realizó en la maquina de extracción MagNA Pure Compact (ROCHE) utilizando el MagNA Pure Compact Nucleic Acid Isolation Kit I (ROCHE). La evaluación de la concentración y de la calidad del ADN se realizó mediante el uso del espectrofotómetro MultiskanGo (Thermo Scientific).
- 2. El genotipado se realizó mediante el estudio de 43 variantes genéticas, en 33 genes, descritas como asociadas con el potencial atlético.
- 3. El genotipado se realizó utilizando un Microchip de ADN en una plataforma de alto rendimiento que hace uso de la tecnologia del sistema iPLEX® MassARRAY® (Agena Bioscience, Inc.). Esta plataforma permite el análisis genético óptimo mediante la combinación de las ventajas de una química exacta de los cebadores de extensión con la espectrometría de masas MALDI TOF. Las diferentes masas de cada uno de los productos de PCR generados se convierten en información del genotipo.
- 4. De acuerdo con el folleto químico iPLEX® de Agena Bioscience, el sistema MassARRAY® realiza genotipado SNP con un alto nivel de precisión y reproducibilidad (>99 % de exactitud en los ensayos validados).

13.2. PANEL DE PRUEBAS GENÉTICAS

```
angiotensin I converting enzyme | NM_000789
                                                                                                                                                                                                                              hypoxia inducible factor 1 alpha subunit | NM_001530 insulin like growth factor 1 | NM_000618 interleukin 15 receptor subunit alpha | NC_000010
                       acyl-CoA synthetase long-chain family member 1 | NC_000004
actinin alpha 3 (gene pseudogene) | NM_001104
activin A receptor type 1B | NM_004302
ACSL1
ACTN3
ACVR1B
                                                                                                                                                                                                         IL15RA
                                                                                                                                                                                                               IL6
                                                                                                                                                                                                                               Interleukin 6 | NM_000600.3
 ADRR2
                        Adrenoceptor Beta 2 | FNSG00000169252
                                                                                                                                                                                                                               interleukin 6 receptor | NM 000565
                       Autenoteption Beta 2 | ENSG00000169232
angiotensinogen | NM_000029
angiotensin II receptor type 2 | NM_000686
AKT serine threonine kinase 1 | NM_005163
                                                                                                                                                                                                        NCT1
NOS3
NRF1
PPARA
ARGC1A
                                                                                                                                                                                                                               solute carrier family 16 member 1 (SLC16A1) | NM_001166496 nitric oxide synthase 3 | NM_000603 nuclear respiratory factor 1 | NC_00007 peroxisome proliferator activated receptor alpha | NM_001001928
                       adenosine monophosphate deaminase 1 | NM_000036 bradykinin receptor B2 | NM_000623
                                                                                                                                                                                                                                peroxisome proliferator-activated receptor gamma, coactivator 1 alpha | NM_001330751 solute carrier family 30 member 8 | NM_173851
                       C-C motif chemokine ligand 2 | NC_000017
                                                                                                                                                                                                     SLC30A8
    CCR2
                       C-C motif chemokine receptor 2 | NC_000003
                                                                                                                                                                                                           SOD2
                                                                                                                                                                                                                                Superoxide Dismutase 2. Mitochondrial I NM 000636.2
                        collagen type I alpha 1 chain | NM_000088
                                                                                                                                                                                                                               tumor necrosis factor | NM_000594
uncoupling protein 2 | NM_003355
uncoupling protein 3 | NM_003356
                       collagen type V alpha 1 chain | NM_0000093
endothelin 1 | NM_001955
Fatty Acid Desaturase 1 | NM_013402.4
Fat Mass And Obesity Associated | NM_001080432.2
                                                                                                                                                                                                                                vascular endothelial growth factor A | NM_001025366
```

13.3. RIESGOS Y LIMITACIONES

HeartGenetics utiliza un estricto control de calidad, sin embargo, no se puede excluir la posibilidad de errores que pueden influir en el resultado de las pruebas. La fiabilidad de los resultados siempre está garantizada ya que las recomendaciones estándar de calidad se han seguido durante la ejecución de las pruebas genéticas por la HeartGenetics, Genetics and Biotechnology SA. Los resultados presentados en este informe se limitan a los conocimientos científicos existentes hasta la fecha de elaboración de esta prueba. HeartGenetics, Genetics and Biotechnology SA garantiza la exactitud del conocimiento científico presentado en el informe. Se han asumido como verdaderas todas las declaraciones anteriores sobre la identidad del individuo y del profesional de la salud, el propósito del estudio, caso índice y la naturaleza y identificación de los productos biológicos analizados.

13.4. GESTIÓN DE LA CALIDAD

HeartGenetics, Genetics and Biotechnology SA es una empresa certificada ISO 9001 e ISO 13485 para el Sistema de Gestión de Calidad y aplica un Programa de Evaluación de Calidad Externa de UK NEQAS. El laboratorio que realiza esta prueba genética se compromete, en todo momento, a cumplir con todas las certificaciones aplicables y la Ley en su territorio.

13.5. TÉRMINOS Y CONDICIONES

HeartGenetics, Genetics and Biotechnology SA no se hará responsable ya sea en contrato, agravio, garantía, o bajo cualquier estatuto, o cualquier otra base de daños especiales, incidentales, indirectos punitivos, múltiples o consecuentes, asociados, resultantes de este documento, o uso incorrecto del producto descrito aquí, o cualquier uso de dicho producto fuera del alcance de las expresas licencias escritas o permisos concedidos por HeartGenetics, Genetics and Biotechnology SA, en la medida en que lo permita la ley.

Los resultados presentados en la Sección 14, Datos Genéticos, son de la responsabilidad del laboratorio que ejecutó la prueba genética.

Ninguna parte de esta publicación puede ser reproducida, distribuida o transmitida de ninguna forma ni por ningún medio (electrónico, mecánico, fotocopia o grabación) o almacenada en un sistema de recuperación, por cualquier motivo que no sea el uso interno de un titular de licencia sin la previa autorización por escrito de HeartGenetics.

En el desarrollo de su actividad, HeartGenetics, Genetics and Biotechnology SA cumple rigurosamente todas las exigencias previstas en la legislación adoptada por las instancias de la Unión Europea. El cumplimiento de las normas internas de los ordenamientos jurídicos respectivos corresponde a los socios de HeartGenetics, Genetics and Biotechnology SA. HeartGenetics, Genetics and Biotechnology SA no se hace responsable de posibles incumplimientos de las normas vigentes en los países de origen de sus socios.

 $\hbox{@ 2017 HeartGenetics, Genetics and Biotechnology SA.}$ Todos los derechos reservados.

Referencia de la muestra: 7029 - EXAMPLE

14. DATOS GENÉTICOS

En la siguiente tabla se enumeran las variantes genéticas que se han identificado como teniendo un impacto en la definición de un plan de entrenamiento. Los resultados se describen de acuerdo a la nomenclatura estípulada por la Sociedad de Variación del Genoma Humano. (http://www.hgvs.org) se refiere a la fecha del 1 de julio de 2017.

No se identificaron otros marcadores moleculares del panel genético con impacto en el potencial atlético, que los que se muestran en la tabla.

Gen	Ensembl	Cambio nucleotídico ¹	Cambio aminoacídico	Resultado
ACE	rs4646994	c.2306-109_2306-108ins(289BP ALU)	-	INS
ACTN3	rs1815739	c.1729C>T	-	С
ACVR1B	rs2854464	c.*997A>G	-	Α
AGTR2	rs11091046	c.*501A>C	-	С
AMPD1	rs17602729	c.133C>T	p.Gln45Ter	С
BDKRB2	rs1799722	c192C>T	-	T
CCL2	rs13900	c.*65C>T	-	CT
CCR2	rs3918358	g.46394419C>A	-	A
CCR2	rs768539	-	-	С
FADS1	rs174546	g.61802358C>T	-	CT
FTO	rs8050136	c.46-27777C>A	-	С
HIF1A	rs11549465	c.1744C>T	p.Pro582Ser	С
IL15RA	rs2296135	g.5994694A>C	-	CA
IL6	rs1800795	c237C>G	-	G
IL6R	rs2228145	c.1073A>C	p.Asp358Ala	CA
MCT1	rs1049434	c.1470T>A	p.Asp490Glu	А
NRF1	rs6949152	g.129286436A>G	-	А
NRF1	rs2402970	c.1348+12596C>T	-	С
PPARA	rs4253778	c.1160-396G>C	-	GC
SLC30A8	rs13266634	c.973C>T	-	TC
SOD2	rs4880	c.47T>C	p.Val16Ala	T
TNF	rs1800629	c488G>A	-	GA

¹ El ID numérico asociado a cada una de las alteraciones, está indexado a una secuencia de referencia obtenida de la base de datos Ensembl (http://www.ensembl.org/index.html).

DIRECCIÓN TÉCNICA

HeartGenetics, Genetics and Biotechnology SA Cantanhede, N.A. Portugal



Helena Vazão

Bióloga Molecular, PhD Directora Asociada del Laboratorio (Responsabilidad de la operación) Susana Rodrigues Santos

Especialista en Genética Humana; Biología Molecular, PhD Directora del Laboratorio (Responsabilidad de la validación)

Referencia de la muestra: 7029 – EXAMPLE

15. APÉNDICE

15.1. EVIDENCIAS PARA LOS MARCADORES MOLECULARES

En el anexo se incluye la interpretación detallada sobre el estudio genético. Todas las pruebas se apoya en los artículos científicos indexados en PubMed (http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed), encontrado en octubre de 2017.

ACE / rs4646994

RESISTENCIA: Mayor Resistencia, Tipo de Fibra (Tipo I) **LESIONES**: Daño Muscular Inducido por el Ejercicio

El gen ECA codifica la enzima convertidora de angiotensina I, una enzima clave que es parte del sistema renina-angiotensina responsable de controlar la presión sanguínea regulando los niveles de líquidos del cuerpo [14]. El gen de la enzima ECA convierte la angiotensina I inactiva en angiotensina activa II en el hígado y degrada la bradiquinina y otros péptidos vasodilatadores. Sus funciones son la vasoconstricción, el equilibrio iónico, la síntesis de eritrocitos, la inflamación, la oxigenación de los tejidos y la eficiencia muscular [15]. El alelo I (inserción) constituye una inserción de 287 bp y se asocia a niveles más bajos de suero ECA y mayor actividad de ECA en los tejidos [16, 17]. Los genotipos ECA II o ID se asocian sistemáticamente a la resistencia y a la mayor eficiencia energética y con mayores ganancias de peso en respuesta al entrenamiento [18, 19]. Estos genotipos están asociados con mayores mejoras en la duración media del rendimiento aeróbico [20], así como con un aumento de la efectividad de los músculos y una mayor proporción de fibras libres (fibras musculares de tipo I) [21]. Debe tenerse en cuenta que, en el rendimiento general, otros polimorfismos genéticos relacionados con el genotipo ECA, como los polimorfismos en el gen bradiquinina 2, también influyen en la fuerza musculoesquelética [22]. Además, se ha observado que, tras el ejercicio excéntrico, los portadores del genotipo II o ID tienen la mayor respuesta de CK tras el ejercicio intenso, lo que sugiere que el alelo I está asociado a una mayor susceptibilidad al daño muscular. Es importante recordar que el nivel de CK solo es uno de varios biomarcadores indirectos para el daño muscular inducido por el ejercicio [23, 24]. Se sabe que la angiotensina II está involucrada en los procesos inflamatorios que siguen al daño muscular [25] mediando en el daño musculoesquelético al influir en la angiogénesis en respuesta al ejercicio. Se sabe que, en músculo dañado en los días posteriores al ejercicio excéntrico, se eleva el flujo sanguíneo capilar en reposo y se da vasodilatación. La densidad capilar del músculo esquelético es menor en portadores del alelo I de ECA no entrenados en comparación con portadores del DD. Una menor densidad capilar puede afectar a la migración de neutrófilos y macrófagos, así como en la eliminación de residuos celulares, que puede afectar negativamente a la magnitud del daño muscular y a la posible remodelación muscular [26].

ACTN3 / rs1815739

FUERZA EXPLOSIVA: Mayor Fuerza Explosiva, Fuerza

ACTN3 codifica una proteína clave de la línea Z sarcomérica en el músculo esquelético. Está considerado el «gen de la velocidad» más famoso del mundo. La expresión del ACTN3 está limitada a las fibras musculares de tipo II (es decir, rápidas y en su mayoría glucolíticas) que pueden generar más fuerza a gran velocidad [19]. El polimorfismo R577X comprende la conversión del codón para arginina (R) en posición 577 al codón de terminación prematuro (X) [27]. El alelo R codifica una proteína α -ACTN-3 funcional y el alelo X corresponde a la falta de producción de la proteína α -ACTN-3. Los estudios han demostrado que la frecuencia del genotipo RR es mayor en atletas de fuerza explosiva y sprint que en control y/o atletas de resistencia [28]. El alelo R (genotipos RR o RX) se asocia sistemáticamente a una mayor fuerza muscular, con fuerza explosiva y rendimiento de élite en fuerza explosiva y sprint [16, 28, 29, 30, 31, 32, 33, 34]. Se ha sugerido también que el ACTN3 puede tener un papel en la determinación del tipo de fibra muscular en atletas de fuerza explosiva puesto que el alelo R se asocia con una aumento de las fibras musculares de contracción rápida, que son responsables de generar fuerza a gran velocidad [28, 35]. La potencia muscular más dinámica (producción de energía) obtenida por atletas con genotipo RR puede estar asociada probablemente con la composición de la fibra muscular y un predominio de fibras de contracción rápida en los músculos de estos individuos. El genotipo RR también se asocia a una mayor fuerza de base. Los portadores de este genotipo presentan una mayor predisposición a desarrollar una mayor fuerza muscular explosiva y tienen una fuerza musculoesquelética más pronunciada mediante ejercicio de alta intensidad [34].

ACVR1B / rs2854464

FUERZA EXPLOSIVA: Mayor Fuerza Explosiva, Fuerza, Sprint

MUSCULACIÓN: Fuerza Muscular

El receptor de activina 1B (ACVR1B) tiene un papel fundamental en la señalización de miostatina, que as su vez es un regulador de la masa musculoesquelética [36, 37]. Así pues, se considera un gen de músculo de fuerza y un potencial regulador de la adaptación al ejercicio de resistencia. Los estudios genéticos han demostrado que las variaciones genéticas en el gen *ACVR1B* influyen en la fuerza muscular humana [38, 39]. Los estudios demuestran que el alelo A (genotipo AA o GA) se asocia de forma diferente al rendimiento de sprint y fuerza explosiva en un grupo amplio de atletas caucásicos y brasileños. Mientras que el alelo A está sobrerrepresentado en atletas de sprint y fuerza explosiva caucásicos (italianos, polacos y rusos) esta asociación es aún más pronunciada si solo se tiene en cuenta a los atletas de élite, y hay una tendencia a una infrarrepresentación del alelo A en atletas de sprint y fuerza explosiva brasileños [39]. Los portadores del alelo G (genotipo GG o GA) han demostrado también una menor fuerza en la rodilla en comparación con los portadores de AA en el estudio Leuven Genes for Muscular Strength (LgfMS) [38]. Los análisis de seguimiento y replicación en una muestra de estudio independiente pero de tamaño limitado también muestran una mayor fuerza para el genotipo AA en relación a la fuerza del extensor dinámico de la rodilla [38].

AGTR2 / rs11091046

RESISTENCIA: Mayor Resistencia, Tipo de fibra